**项目要求:**

项目基本指标要求：完成60例体液类标本的Deep定量蛋白质组检测分析。质谱数据采用数据非依赖型采集（Data Independent Acquisition, DIA）技术，用于该样品的蛋白质组学检测。

**技术参数：**

1. 蛋白组检测平台：Bruker 4D-Tims TOF Pro及该系列型号或更高配置的质谱仪用于样本检测。（1）

使用DIA（data-independent acquisition）技术对样本进行蛋白质组分析和测试(包括预实验评估和自建库)。（2）
 质谱性能要求如下：

•分辨率：要求所提供设备的分辨率不小于50,000FWHM @1222 m/z；最低分辨率≥7,500（FWHM），m/z 200；最高分辨率：≥240,000 （FWHM），m/z 200；（3）
 • 质量精确度（MS和MS/MS）：< 3 ppm 外标法；< 1 ppm 内标法；（4）
 • 动态范围：> 5000 一张谱图中；（5）

• 离子选择范围最大至3000 m/z；（6）

• 检测质量范围：需要含盖20-40000 m/z。（7）

1. 蛋白数据库：使用uniprot最新的Homo sapiens-9606蛋白数据库，选择使用reviewed（20417条蛋白序列）搜库定性定量分析。 （8）
2. 人血液DDA蛋白自建库：拥有血液样本DDA蛋白本地数据库，库容量不低于7000种蛋白质； （9）
3. 检测方法：采用基于纳米颗粒的高深度血液蛋白质组进行检测，要求中低丰度蛋白鉴定数量不低于3000个蛋白。（10）
4. 拥有自主研发的分析云平台，供用户后续进行自主分析； （11）
5. 具备自主可控及成熟稳定的数据处理和质控流程，数据可回溯并提供原始文件； （12）
6. 投标人公司具有独立自主的蛋白组学平台和代谢组学技术团队，具备独立开展系统生物学技术服务，具备多层组学整合分析能力，可协助招标人进行后续生物信息学数据分析。（13）
7. 按照约定测试数据量，保证所提供的资料、数据真实可靠。（14）
8. 严格执行合同相关规定，对测试数据保密，测试数据所有权和使用权为甲方所独有。（15）
9. 投标人在1个工作日内对招标人的服务要求作出响应，一般问题在2个工作日内解决，其他无法迅速解决的问题在一周内解决或提出明确的解决方案。（16）